

HBV感染者中HCV感染检出率11.39%，高于戚中田等报道慢性HBV携带者(3.2%)，低于陶其敏等报道HBsAg阳性者(32.4%)[1]，而与Fattovich G等报道相近[4]。提示不同地区或不同群体重叠感染的差异。本文结果多种HBV感染模式可与HCV双重感染，既往感染过HBV，不仅没有交叉免疫力，而且重叠感染HCV的危险性增加。但由于某些模式的样本较少，结果可能不稳定，有待进一步研究证实。

Exploration on the Association between the Pattern of HBV Markers and Infection of HCV among Population Li Wenyong, Zhu Yue'e, and Hua Zhaomeng. Dept. of Epidemiology, Public Health School, Sun Yat-sen of Medical University, Guangzhou 510089

Sera from 193 cases with positive HBV markers in April 1993 were detected for infection of HCV to explore the association between the pattern of HBV markers and the infection of HCV among population. The result showed that 14 patterns were found; the pattern of positive HBsAg, HBeAb, HBcAb

(43.01%) and the pattern of positive HBsAg, HBeAg, HBcAb (30.57%) were more often seen. The percentage of HCV infection among cases infected with HBV was 11.39%. The difference of the positive rate of anti-HCV among various patterns of HBV markers was significant ( $\chi^2=24.48, P=2.062 \times 10^{-5}$ ).

Key words HBV Patterns of HBV markers HCV

参 考 文 献

- 1 戚中田, 杜平主编. 丙型肝炎病毒与丙型肝炎. 上海: 上海科学技术出版社, 1992, 177~188.
- 2 Tabor E, Kobayashi K. Hepatitis C virus, a causative infectious agent of non-A, non-B hepatitis: prevalence and structure-summary of a conference on hepatitis C virus as a cause of hepatocellular carcinoma. J Natl Cancer Inst, 1992, 84(2):86.
- 3 代红立, 缪以懋, 李忠云. 6078例乙肝感染模式分析. 综合临床医学, 1992, 6:13.
- 4 Fattovich G, Tagger A, Brollo L, et al. Hepatitis C virus infection in chronic hepatitis B virus carriers. J Infect Dis, 1991, 163(2):400.

(收稿: 1993-07-21 修回: 1993-08-10)

用聚合酶链反应技术在猫胃内检出幽门螺杆菌\*

杨海涛<sup>1</sup> 周殿元<sup>1</sup> 徐智民<sup>1</sup> 王继德<sup>1</sup> 李岱宗<sup>2</sup> 宋敏<sup>3</sup>

迄今对幽门螺杆菌(HP)的传染源和传播途径所知甚少。1988年澳大利亚学者Lee等成功地从猫胃内分离出猫胃螺杆菌(HF)。HF与HP不同,菌体较长,有6~10个螺旋和周身边毛。我们对3例猫胃粘膜涂片、革兰氏染色及石蜡切片、Warthin-Starry银染色的结果表明,在猫胃内除HF外,还有一种形态上与HP非常相似的细菌,为了对该菌进行鉴定,我们用互补于HP特异性的尿素酶A基因的两对引物行巢式聚合酶链反应(N-PCR),对该3例猫(M<sub>1</sub>~M<sub>3</sub>)胃粘膜进行N-PCR检测,其中2例(M<sub>1</sub>, M<sub>2</sub>)得到了特异性的扩增条带(310bp)。对其中M<sub>2</sub>的N-PCR扩增产物进行DNA序列测定,与GeneBank

内的HP尿素酶A基因序列进行比较,同源性为97.7%。为进一步证实该结果,我们又选择了互补于HP 16S rRNA基因的引物行PCR,同样获得了HP特异性条带,说明猫胃内确实存在HP。在猫胃内检出HP,具有两点重要意义:①猫是人类HP感染的可能动物传染源,HP感染是一种人畜共患病;②猫有可能成为很有用的动物模型,用作研究HP的传播途径和致病机理。

(收稿: 1994-03-15 修回: 1994-04-02)

1 第一军医大学附属南方医院消化科 510515 广州市  
2 上海市肿瘤研究所 3 第一军医大学组胚教研室  
\*本研究系国家自然科学基金资助课题